

EJERCICIOS

TEMA 3.2. Obtención de matrices: búsqueda de homologías, alineamiento

Ejercicio 3.2.1. Repite el proceso para la región del ADN ribosómico nuclear ITS y guarda el alineamiento bajo el nombre "Alineamiento_ITS_clustal".

Ejercicio 3.2.2. Repite el proceso para la región del ADN ribosómico nuclear ITS y guarda el alineamiento bajo el nombre "Alineamiento_ITS_muscle".

Ejercicio 3.2.3. Compara los dos alineamientos obtenidos con ITS y responde a las siguientes preguntas: (a) ¿Qué diferencias observas entre ellos? (b) ¿Cuál de las opciones te parece que tiene mayor sentido biológico en cada caso? (c) ¿Existe algún punto en el alineamiento en el que manualmente hubieras propuesto una solución diferente a la obtenida automáticamente mediante Clustal y MUSCLE? (d) ¿Por qué?