

RESPUESTAS DE LOS EJERCICIOS

TEMA 3.3 Obtención de árboles filogenéticos mediante el método de máxima parsimonia

Respuesta Ejercicio 3.3.1. véase documento “Glaucoseseda_ITS_LF.tre” en la carpeta output 3.3.

Respuesta Ejercicio 3.3.2. véase documento “Glaucoseseda_ITS_LF_MPbs” en la carpeta output 3.3.

Respuesta Ejercicio 3.3.3. Lo que estamos obteniendo al realizar análisis con los genes por separado son árboles de genes, no árboles de especies. El resultado es diferente en función de la información inicial con la que trabajamos. Cuanta mayor cantidad de información seamos capaces de combinar (Evidencia Total), mejor será nuestra aproximación a la historia evolutiva del grupo.