

AUTOEVALUACIÓN

TEMA 3.1. Obtención de secuencias

Autoevaluación 3.1.1. Haz una búsqueda para ver si hay secuencias en el *GenBank* de la región del ADN nuclear ITS (*Internal Transcribed Spacer*) de *Reseda*. ¿Cuántas encuentras?

Autoevaluación 3.1.2. Haz una búsqueda para ver si hay secuencias en el *GenBank* del espaciador plastidial *trnLF* de *Reseda*. ¿Cuántas encuentras?

Autoevaluación 3.1.3. Has estado trabajando en el laboratorio para conseguir una secuencia de *trnLF* (veáse abajo) y aumentar así el muestreo en tu filogenia de la sect. *Glaucoseseda*. Sin embargo, no consigues alinearla de ninguna manera con las otras secuencias que te has bajado del *GenBank* ya que no se encuentran posiciones homólogas. ¿Qué crees que puede haber pasado y cómo lo confirmarías?

```
TTGACTCCCTTATTTTTATCCTATCCTTTTTTCGTTAGCAGTTAAAAATTCGTTATC  
TTTATTCATACTGAACTTACAAAGTCTTCCTTTTTTTGAAGATCCAAGAAATTCTAG  
GACCTGGATAAGACTTTGTAATACCATTTCAATTGACATATAATTGATAATTGACAT  
AGACCCAAGTTTTCTAGTAAAATGAGGATGCGGCA TCGGGAATGG TCGGGATA
```