

RESULTADOS AUTOEVALUACIÓN

TEMA 3.1. Obtención de secuencias

Resultado autoevaluación 3.1.1. Especifica “Nucleotide” en la página web del genbank y escribe **Reseda AND “Internal transcribed Spacer”** para la búsqueda. Te aparecerán al menos 163 accessions.

Resultado autoevaluación 3.1.2. Especifica “Nucleotide” en la página web del genbank y escribe **Reseda AND “trnL-F”** para la búsqueda. Te aparecerán al menos 199 accessions.

Resultado autoevaluación 3.1.3. Si te has asegurado se usar los *primers* adecuados para la amplificación del espaciador *trnL-F* podría ser que la secuencia que has obtenido sea fruto de una contaminación. Para confirmar o descartar esta opción haría un *BLAST* y ver a qué se parece la secuencia que he obtenido yo. En este caso, resulta ser efectivamente una contaminación con otra planta *Fatsia japonica* (Araliaceae). El *blast* devuelve un 100% de coincidencia con un 100% de cobertura con la secuencia modelo con una secuencia de *Fatsia japonica* (Genbank accession number: [AF515528.1](#))