

RESPUESTAS DE LA AUTOEVLUACIÓN

TEMA 2.2. Puntos clave en el diseño y elaboración de una filogenia molecular

Respuesta Autoevaluación 2.2.1. Utilizaría el genoma mitocondrial y el nuclear.

Respuesta Autoevaluación 2.2.2. Para poder trazar la historia evolutiva de un grupo al nivel de clase utilizaría regiones del ADN codificantes, ya que al presentar una tasa de mutación más lenta, será más fácil detectar señal filogenética. Si utilizásemos una región no codificante podríamos incurrir en la reconstrucción de historias filogenéticas espurias debido a: (1) alineamientos erróneos consecuencia de la dificultad de encontrar regiones homólogas y (2) presencia de *multiple hits* (véase tema 2.2)

Respuesta Autoevaluación 2.2.3. Por el contrario, si el objetivo es evaluar las relaciones filogenéticas entre las especies de un género recurriría al estudio de regiones no codificantes. Al presentar tasas de mutación más elevadas el nivel de variación es mayor, ajustándose mejor a la detección de cambios entre especies próximas.